

空間トランスクリプトーム解析 (Stereo-seq) キャンペーン

キャンペーン期間: ~2025年10月30日(木)まで到着分

1,290,000円(税別)/サンプル

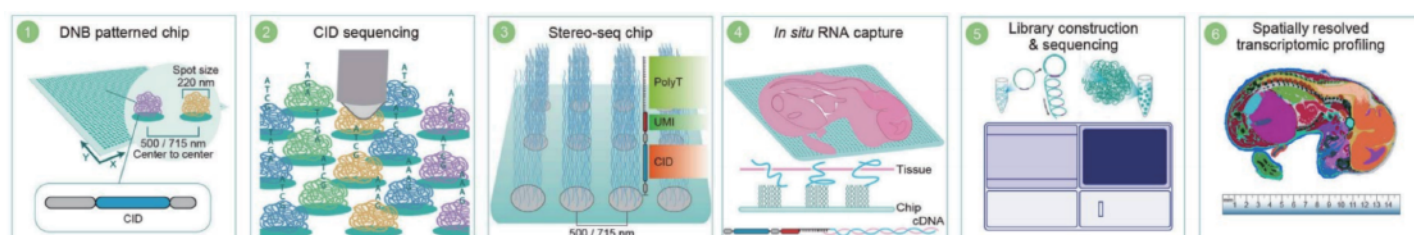
10サンプル以上のご注文で、さらに10%OFF!

サービス内容

- ・ 切片処理からデータ解析まで
- ・ チップサイズ: 1 cm * 1 cm

データ量

- ・ 2000 M リードペア/サンプル(新鮮凍結サンプル)
- ・ 2500 M リードペア/サンプル(FFPEサンプル)



	新鮮組織(FF)サンプル	FFPEサンプル
対応生物種	制限なし	制限なし
検出対象遺伝子	mRNA	Total RNA (Non-coding RNAを含む全転写物)
RNAキャプチャ方法	Poly-Aキャプチャ	ランダムプローブキャプチャ
推奨データ量	2000 M リードペア/サンプル	2500 M リードペア/サンプル
感度(検出遺伝子数)*	200-400 (Bin 20) 4,000-10,000 (Bin 200)	100-200 (Bin 20) 4,000-7,000 (Bin 200)

* 検出遺伝子数はサンプルの組織種別および状態等により変動し、上記は中央値を示しています。

サービスの強み

- ・ 超高解像度-220 nm径のDNBを500 nmピッチで高密度に配置し、mRNAまたはTotal RNAを効率的に捕捉
- ・ 研究開発チームによる強力なバックアップ体制
- ・ Stereo-seq関連論文60本以上発表

※ 納品費用(HDD)は別途となります。

詳細については下記までお問い合わせください

BGI JAPAN 株式会社

〒650-0047

兵庫県神戸市中央区港島南町1-5-2

神戸キメックセンタービル8F

Tel: 078-599-6108 Fax: 078-599-6109

E-mail: bgjapan@genomics.cn

Web: <https://www.bgi.com/jp/>

本サービスは診療・診断など、研究目的以外に利用できません。(特に明記されない限り)。

Copyright©BGI2025.この資料で使用されているすべて商標の権利は、BGIまたはそれぞれの権利の所有者に帰属します。掲載されている内容には、幅広い対象者を対象としたサービスまたは製品に関する情報が含まれております。またはお住まいの国では有効でない情報が含まれている可能性があります。お客様の出身国の法的手続き、規制、登録、使用法に準拠していない可能性のある情報へのアクセスについて、当社一切の責任を負わないものとします。地域別の利用についてはお問い合わせください。BGIは最終的な解釈の権利を留保します。



www.bgi.com



BGI Genomics

